



Chemical Biology Seminar

Francis T. F. Tsai, Ph. D.

*Associate Professor
Baylor College of Medicine*

"Visualizing the Structure of a Molecular Machine"

平成 20 年 11 月 11 日 13 : 00 ~ 14 : 00
(総合研究実験棟 セミナー室 2 CB316)

米国構造生物学の若手ホープ Tsai 准教授に講演していただきます。今回は、Norman Hackerman 賞を授与された研究など、最近の独創的な研究を学生用に分かりやすくまとめていただきます。

参考文献

- Lee, S., Choi, J.M. and Tsai, F.T.F. (2007). Visualizing the ATPase cycle in a protein disaggregating machine: Structural basis for substrate binding by ClpB. *Mol. Cell* 25:261-271.
- Haslberger, T., Weibezahn, J., Zahn, R., Lee, S., Tsai, F.T.F., Bukau, B. and Mogk, A. (2007). M-domains couple the ClpB threading motor with the DnaK chaperone activity. *Mol. Cell* 25:247-260.
- Weibezahn, J., Tessarz, P., Schlieker, C., Zahn, R., Maglica, Z., Lee, S., Zentgraf, H., Weber-Ban, E.U., Dougan, D.A., Tsai, F.T.F., Mogk, A. and Bukau, B. (2004). Thermotolerance requires refolding of aggregated proteins by substrate translocation through the central pore of ClpB. *Cell* 119:653-665.
- Lee, S., Sowa, M.E., Watanabe, Y., Sigler, P.B., Chiu, W., Yoshida, M. and Tsai, F.T.F. (2003). The structure of ClpB: A molecular chaperone that rescues proteins from an aggregated state. *Cell* 115:229-240.



KYOTO UNIVERSITY
Global COE Program
INTEGRATED
MATERIALS SCIENCE

このセミナーはグローバル COE プログラム「統合物質科学拠点」
によりサポートされています。

Contact: 化学研究所ケミカルバイオロジー
上杉 志成 (3225)